

N°77

Ce que je fais : Je compare les séquences peptidiques du patient et d'un patient sain.

Comment je fais : J'étudie sur Rastop les deux séquences en m'intéressant aux gènes Asp197, Glu233, Asp300 et Trp58, Trp59, Tyr62

Résultats attendus :

Si les séquences montrent une différence au niveau des acides aminés impliqués dans la liaison au substrat : Trp58, Trp59, Tyr62, alors c'est ce manque de liaison au substrat qui est à l'origine de ce dysfonctionnement de l'amylase salivaire.